

XhoI

1 CTCGAGGAAATTGTTTGTGTTGTATCTACAAACTTCAAAATATCTTTGTTTATTGTCTCTTCGATGGATT  
 71 TTATTTTCATCTTCGCGATTGATTCTTCCTTGGTTACCGTAATTTATAAATAAACACAATAAAAAATTAAG  
 141 TTTAAAAACAATTTTATTAAACCCATCGTCTTGATTACTATCATCCAGTAGGAAATTAGAACTAGATT  
 399 **ValTrpArgArgSerLysSerAspAspTrpTyrSerIleLeuValLeuAsn**  
 211 ATAATCTATCGGTATAGAAATATGTTTCCAAATAAATTAGTTAAATTTTTCAGCTTTTCTTTATCATCT  
 381 **TyrAspIleProIleSerIleHisLysTrpPheLeuAsnThrLeuAsnLysAlaLysGluLysAspAspI**  
 HindIII

281 ATAAAGCTTAAAAGTGTTTCATAACAAGATTTATATCAAACCTTTTCTTGGATAATTGGAACCTCTTTTAA  
 357 **IlePheSerLeuLeuThrGluTyrValLeuAsnIleAspPheLysGluGlnIleIleProValArgLysIle**  
 351 TTATAGATAAAATTTTCACCCCTATATTCTGGGGTTATCATATTTGTTAGATGTTTAAATAAATTTTCTCTC  
 334 **IleSerLeuAsnGluGlyArgTyrGluProThrIleMetAsnThrLeuHisLysIlePheLysArgGlu**  
 421 CAACACTTCGTGTTTGGTTTGGGGTGCCGGAAGCATCATTAAAGAACGGGATATCGTTTTTCATTATTGGT  
 311 **LeuValGluHisLysThrGlnProAlaProLeuMetMetLeuSerArgSerIleThrLysMetIleProP**  
 491 GGAAATCTTGATGTATATTTTAAATTTAAACTATTCTCATCAACAGCTGTTACGCGCTTTGATTGTCTCTT  
 287 **roPheArgSerThrTyrLysLeuAsnLeuSerAsnGluAspValAlaThrValArgLysSerGlnGlyLy**  
 561 TATTTGATGGAGAGTTTATTTTGTATAAAATTTTAAATCCATTTTGATTGTTTGGTATACCAAATGAATC  
 264 **sAsnSerProSerAsnIleLysSerLeuIleLysPheGlyAsnGlnAsnLysProIleGlyPheSerAsp**  
 631 GGTATCACTACTTTCACTACTGGTAATATTTGAGGATTCTTCGGATGATGAACTATATTTGTAGAAACA  
 241 **ThrAspSerSerGluSerSerThrIleAsnSerSerGluGluSerSerSerValIleAsnThrSerValS**  
 701 GAATCACTTATTCTCCATGAGTTTGATATTTGATCTAAATATTTTTCATGATGTGTATTCTCTCTGATT  
 217 **erAspSerIleArgTrpSerAsnSerIleGlnAspLeuTyrLysGluHisHisGlnIleGluGlySerGl**  
 771 CTTCAATGAATCTCCACTATCAGAATTATATTCCTTTTACTATTTTATATTTATTTTAAATAATTGA  
 194 **uGluSerSerAspGlySerAspSerAsnTyrGluLysLysSerAsnLysTyrLysAsnLysIleIleSer**  
 841 TTGAACAGATTTTAAATAGGGGCTTGGTGCAAGTCTGTATGACAGCGAACAACCGTACATAAAACTCA  
 171 **GlnValSerLysLeuIleProAlaGlnHisLeuAspThrHisCysArgValPheThrCysLeuPheGluP**  
 911 GGATATGATACATTTAAAGAAGCAAGTATATCCCTACATCGGAGGGTGGGTGGAAGAGGTACAACAT  
 147 **roTyrSerValAsnLeuSerAlaLeuIleAspArgCysArgLeuThrProProPheLeuProValValAs**  
 981 CCAATATAATATCACAACCCATTAATATTAGATCAGTATCCGTTGTATATATTTGAGCGGCTGTATTAGT  
 124 **pLeuIleIleAspCysGlyMetLeuIleLeuAspThrAspThrThrTyrIleGlnAlaAlaThrAsnThr**  
 1051 ATGATAAAGATTAGCACAAACATCATCAGCTTCCATATCAGATACATTAACATATGGAAAACCCAAATGG  
 101 **HisTyrLeuAsnAlaCysValAspAspAlaGluMetAspSerValAsnValTyrProPheGlyLeuHisA**  
 1121 CGTATTAAATTAACACATAATTTATAACATAACTTAGGAGTATTTACAAGTGAGCTCCATCGTGCTGATA  
 77 **rgIleLeuAsnValCysLeuLysTyrCysLeuLysProThrAsnValLeuSerSerTrpArgAlaSerLe**  
 1191 AAATATTTATAGGTTACATTTTTCCTTTTGTAAAGTTTPTAAATTTCCCCACATACATTATCCTT  
 54 **uIleAsnIleProGluCysLysGluLeuLysLysTyrThrLysLeuIleGluGlyCysValAsnAspLys**  
 1261 AATGGAATTTCTCCAAGTCTTCCAGATCTCTCTGATGACACATAGTTTGTGTGGCGATACGTTTGCTCC  
 31 **IleSerAsnArgTrpThrLysTrpIleArgArgSerSerValTyrAsnThrHisArgTyrThrGlnGluV**  
 <-- ORF1 BgIII

1331 ACGTTTAAACATGTCCATCACCATTATATACCAGATCTGAAACAAAAATGGAAAAATAAGATCTTTTTTGG  
 7 **alAsnLeuMetAspMetValMet**  
 1401 AGTAATTTAAGTAAAGAAAAAAACATTCAGCTGTTACAGTGGGACTATCCGTTTGAGTATCATTCTTA  
 1471 TACAAAATTTTCCATCAACGTATACATTCCATAAGTCAATTGCGATTGGTGTACAATACCAGGT  
 SpeI

1541 GGTGTTGCTATCGCATCGTGTGTTAACTAGTCTACGACTATAAGCATATTTCAAAGTCCAAAAAGACCCA  
 SpeI

1611 TTTTAATAAAATACCAAACAGAACCTTTTCGACAAACTAAATGAATAAACTAGTTTTTAAGTATTAAT

## ORF2 ---&gt;

1681 ATAACCTTTAACTAAATTAATTAATAATGATTAATTTAAAAACCGAAATACAAATATTTTTTAGTCAAG  
 15 ▶ MetIleAsnLeuLysThrGluIleGlnIlePhePheSerGlnA  
 1751 ATTTTATGAAATCAATCAAAATCACCACAATTATGCAAAATGAACCCACCTACCAACGTCATCAAAACTAA  
 15 ▶ spPheMetLysSerIleLysIleThrThrIleMetGlnMetAsnProProThrAsnValIleLysThrAs  
 1821 TTTAGTCTATAAAAAGAAATTGTTAATTTAGTTTAAATTTAACTTTTATTTCTTAAATTTTTATTA  
 38 ▶ nLeuValTyrLysLysLysLeuLeuThrPheSerLeuAsnLeuAsnPheTyrPheLeuLysPheLeuLeu  
 1891 TTTTGCTTAGTTTTTAAGCGGATGGCGTGTTCGTCCTAAACTGAATTTAAGATAACCAACCATCCAT  
 62 ▶ PheCysLeuValPheLysAlaMetAlaCysPheArgProLysThrGluPheLysIleThrAsnHisProS  
 1961 CTCAGATTATAAATAACGAAGAAAATATAAACTCTGAAGAAGGAAAATTTATATCTGGTCGTGCTGTTTT  
 85 ▶ erGlnIleIleAsnAsnGluGluAsnIleAsnSerGluGluGlyLysPheIleSerGlyArgAlaValle

## HindIII

2031 GGAAGATCAAAAGCTTCGTGATGTGATAAGTATGCTAACACCCCTTTTCAACTAGCTTGAAAACTCTTTT  
 108 ▶ uGluAspGlnLysLeuArgAspValIleSerMetLeuThrProPheSerThrSerLeuLysAsnSerPhe

## SpeI

2101 ATAGTTTTTAGTGACTATGGGATGATGATCCATACTAGTATTTGTGGAGAACAAATTTACATTCCTATTT  
 132 ▶ IleValPheSerAspTyrGlyMetMetIleHisThrSerIleCysGlyGluGlnIleTyrIleProIleS  
 2171 CTAAAAACCAATTTTCTTCTTATTTTTGGGGATATAGCGACCCCTGCGGTATTTTTGGCAAATGTTGATAG  
 155 ▶ erLysAsnGlnPheSerSerTyrPheTrpGlyTyrSerAspProAlaValPheLeuAlaAsnValAspSe  
 2241 TAAAAGGGGATTGTTGGATGTTTTTAAATCAACAAGTAAATGTCTAAAGTATTCTTTGAAATAAGTAAC  
 178 ▶ rLysArgGlyLeuLeuAspValPheLysSerThrSerLysMetSerLysValPhePheGluIleSerAsn  
 2311 CCTTCCCAACATAGAATGTTAAACAAGTTATTTTTACTATAAGTGATAGTAATATAAAATGCTCTACAC  
 202 ▶ ProSerGlnHisArgMetLeuLysGlnValIlePheThrIleSerAspSerAsnIleLysCysSerThrL  
 2381 TTCTAAAGCTGAATTTAGTAAGTATTGTATTATGCTTCCATCAAGAAATCCGGACTTTAGTCTTGAAGT  
 225 ▶ euLeuLysAlaGluPheSerAsnTyrCysIleMetLeuProSerArgAsnProAspPheSerLeuGluLe  
 2451 TAATAATATCAATTAAATAAAATACTCGAACTAAACAAAAAACAAATTCATTGTTAAATTTGAATCT  
 248 ▶ uAsnLysTyrGlnLeuAsnLysIleLeuGluLeuAsnLysLysGlnAsnSerLeuLeuLysPheGluSer  
 2521 AATGAAAATAATGTTGTGATTTTCATCTGAAAGTGGAAGTGTTCATTGAATTTGGATAGAAGCGATTCTG  
 272 ▶ AsnGluAsnAsnValValIleSerSerGluSerGlySerValSerLeuAsnLeuAspArgSerAspSerG  
 2591 AAGGAGAAGATAGCGCATCGATTTTAAATCTGCTACAAAAAAGTAAATCCTTATCTAGTTAAACACTC  
 295 ▶ luGlyGluAspSerAlaSerIleLeuLysSerAlaThrLysLysValAsnProTyrLeuValLysHisSe  
 2661 AGAAAATTTCAAACGTTTAAATTTTCGTGGATGATTATACCAATTTTTTTTCTCTTTTGAAAAACTA  
 318 ▶ rGluAsnPheLysArgLeuLysPheArgTrpMetIleIleProIlePhePheProLeuLeuLysLysLeu

## HindIII

2731 AAATAACAAATACAACAGTATCGATAAATTTCTTTTTTACTCCAACCTACCAATCCCATGATAAGCTTGA  
 342 ▶ LysLeuThrAsnThrThrValSerIleAsnPhePhePheThrProThrThrAsnProMetIleSerLeuT  
 2801 CGTCAAGTAAACCAATTGGAATTATACTGTTTTTCTTTTGTACCAATGAATTGCAACATAAGAGCCTGAA  
 365 ▶ hrSerSerLysProIleGlyIleIleLeuPhePhePheCysThrAsnGluLeuGlnHisLysSerLeuLy  
 2871 GCGCCAGCATCTCCATCAGATGAAGAAAAGCCACCAAAATCCAAATGTGGATTTTTTAGTCAACATTTT  
 388 ▶ sArgProAlaSerProSerAspGluGluLysProProLysIleGlnCysGlyPhePheSerGlnHisPhe  
 2941 GTAAATACGGATGTTAATATTAAACCCTAATTAAATGACGTAAATGATAAATTGTATTTAAAGAGAAGT  
 412 ▶ ValAsnThrAspValAsnIleLysPro...

## HindIII

## ORF3 ---&gt;

3011 TTTTCCAAAAGACAAGCTTTTATTAATAATGTCACTAGAAGATAATAATGTACAATCGTTTGATCAACT  
 1 ▶ MetSerLeuGluAspAsnAsnValGlnSerPheAspGlnLe  
 3081 GGAACCTCCTATTACATCATTTTTCTATAATAAATGCTCTGGATCGAGACCTGGATGTCTACCATGTATG  
 14 ▶ uGluProProIleThrSerPheSerIleIleAsnCysSerGlySerArgProGlyCysLeuProCysMet

3151 TATGTAACACAAAATCACTTCTATGTATTGGACTTCAAGCTGGAATTTTAAACAGCCTTAATTATATTAA  
 38▸ TyrValThrThrLysSerLeuLeuCysIleGlyLeuGlnAlaGlyIleLeuThrAlaLeuIleIleLeuI  
 3221 TTCAAATATTAACTGAAAGTTTCGTATGTTCTATAATTCTTATAGCAACTGTGTTAATATTTACGCTATC  
 61▸ leGlnIleLeuThrGluSerPheValCysSerIleIleLeuIleAlaThrValLeuIlePheThrLeuSe  
 3291 AAAAATATCTATTTCTACTTCTGAAAAAATTTCTTCTATTGTAGAAATTAGTCAGTCGATATTTGTAACA  
 84▸ rLysIleSerIleSerThrSerGluLysIleSerSerIleCysArgIleSerGlnSerIlePheValThr  
 3361 ATAGCCGCCTTTTGTGGGGGTTTGATGGATATTAAATCCAATAGCAATTAAATAATCTTATATTAA  
 108▸ IleAlaAlaPheCysTrpGlyPheAspTrpIleLeuAsnProIleAlaIleLysIleIleLeuIleLeuS  
 3431 GTTTATCATTTTTAACTATTGTACAATAAAAATACATATATTTTATTTGATAAGTATATTAAATGGTTC  
 131▸ erLeuSerPheLeuThrIleCysThrIleLysIleHisIlePheTyrLeuIleSerIleLeuAsnGlySe  
 3501 TGGATCTCATGTAAAAGGATCGCTAGTAACAATATTGTTTGGAACTATACTAGGTGTATTTGGAACTCTT  
 154▸ rGlySerHisValLysGlySerLeuValThrIleLeuPheGlyThrIleLeuGlyValPheGlyThrLeu  
 3571 AATGTTATTAAATAGAAATTTTAAATGGATTGGTATAGCACTTTGTATAATTTTATCTAACACCAACT  
 178▸ AsnValIleLysIleGluIleLeuIleGlyPheGlyIleAlaLeuCysIleIleLeuSerAsnThrAsnP  
 SpeI BglII  
 3641 TTGGACTAGTAATTAGAGATACATGCTATTATCGTATAGGAAGATATAAAATTAATGAGAAGCTTTTACAGA  
 201▸ heGlyLeuValIleArgAspThrCysTyrTyrArgIleGlyArgTyrLysLeuMetArgThrPheThrAs  
 3711 TCTTGGACATGGAGCGTCTTACTCAATAGAGGAAGATGAAACCTCTGATTACAGTGAAATACATGAAAGA  
 224▸ pLeuGlyHisGlyAlaSerTyrSerIleGluGluAspGluThrSerAspTyrSerGluIleHisGluArg  
 3781 AAAATTAGTAGTTTCAACTAATTTATAAATATCCAAGTATGATAATAATTTCTATTTTAGGATTTATGT  
 248▸ LysIleSerSerPheGlnLeuIleTyrLysTyrProSerMetIleIleIleSerIleLeuGlyPheMetL  
 3851 TAACTATAGCTATTTGGGGATTAAATGTATACCTTAAAAAATTTAAATTTTCATCTCTCTTTTACACTTGT  
 271▸ euThrIleAlaIleTrpGlyLeuAsnValTyrLeuLysAsnLeuLysPheHisSerProPheThrLeuVa  
 3921 TATTAGCTTTATTGTTGGTCATTGTTTAGCATTCTTAGTTGAACCGTTTAACTATAAGATTAAATGTATA  
 294▸ lIleSerPheIleValGlyHisCysLeuAlaPheLeuValGluProPheAsnTyrLysIleLysCysIle  
 3991 TCACGAATTATACTAATTATTGTCTTTTACTAGAATTAATTTGCTTCACTTATTTCTGTACTAGGATTAA  
 318▸ SerArgIleIleLeuIleIleCysLeuLeuLeuGluLeuIleAlaSerLeuIleSerValLeuGlyLeuA  
 4061 ATTTTGGATCACCATTAATCTTGACAACAACCTACTACAATTTTCGTTAGTTTCACTTTTGTATATACGAAA  
 341▸ snPheGlySerProLeuIleLeuThrThrThrThrIleSerLeuValSerLeuLeuTyrIleArgLy  
 4131 ACAAACACAAGGTGTAAACCGTCTTGCTGCCACATATATTTACAGAGCCCTAATTATTGGTTTGTATATG  
 364▸ sGlnThrGlnGlyValAsnArgLeuAlaAlaThrTyrIleSerArgAlaLeuIleIleGlyLeuTyrMet  
 4201 ACTGTTGGAATTTGTTACATTTTATTTAAACAATAAATTAATTTTAACTATATTACGGTTGTGTG  
 388▸ ThrValGlyIleCysTyrIlePheIleLysThrIleAsn...  
 EcoRI  
 4271 TGTTTTAAGTTTTAAATAAAGCAATATTTGCAATTCACATTTATCAAAAACATTAAAACCCAACACAAAA  
 ORF4 --->  
 4341 AAATTTCTATAATCATTAAAGGTAATAAGTCAAAATGAGTTTAAAAATTTTATCTAATATATGTAATTA  
 1▸ MetSerPheLysAsnPheTyrLeuIleTyrValIleI  
 4411 TAATTTTTATAAACTCGATAATAACTTCGGCATCTACATCCAAACCTTCAACACCTACCATAATTCCAAC  
 13▸ leIlePheIleAsnSerIleIleThrSerAlaSerThrSerLysProSerThrProThrIleIleProTh  
 4481 TTCAGCAAATGAATCACCTGCTTCCATAGATACAACATAACAAAACCTATATCTACAGAGGCAAATAAT  
 36▸ rSerAlaAsnGluSerProAlaSerIleAspThrThrIleThrLysProIleSerThrGluAlaAsnAsn  
 4551 TTAAAATCAGTAAGTACCTCAATTAAACCACCTAAAAAATTAATAAATTAATCTAAATGTA  
 60▸ LeuLysSerValSerThrSerIleLysProProLysAsnLeuLysLysLysLeuLeuLysSerLysCysA  
 4621 GAGATAATGTTATTATAGGCCATATTTAGTCAATTAGAAATTAAGTGTACTATACTAAAAAGCAAAA  
 83▸ rgAspAsnValIleTyrArgProTyrPheSerGlnLeuGluIleAsnCysThrIleThrLysLysGlnAs  
 4691 TTTAAGTAATCCTTTAATTGAGTTATGGTTTAAAGAACTTTCTACATATAATAAAACCAATGAAAATGTT  
 106▸ nLeuSerAsnProLeuIleGluLeuTrpPheLysGluLeuSerThrTyrAsnLysThrAsnGluAsnVal  
 4761 GAAAGTTTAAAAACAGATATATCAAAAAATATTTTATTATTTTCGACAAAAATAATAGTGATAACTTTT  
 130▸ GluSerLeuLysThrAspIleSerLysAsnIleLeuLeuPheSerThrLysAsnAsnSerAspAsnPheT

4831 ATAATGATTCTTTTATTAGGTATACAAAATCAACCAGTAAATTATAAACTTTACGGTTCCCAATTTTATGA  
 153 ▶ yrAsnAspPheLeuLeuGlyIleGlnAsnGlnProValAsnTyrLysLeuTyrGlySerGlnPheTyrAs  
 4901 TAATGGAAACATATTACTAAATATAAAGTCGGTTGACTTTAAACCTCTGGAATATATACTTGGAAACTA  
 176 ▶ pAsnGlyAsnIleLeuLeuAsnIleLysSerValAspPheLysThrSerGlyIleTyrThrTrpLysLeu  
 4971 TATAATTCAAATAATGAAAGTATTTTGGAACTTTTAAATTCAGTATATGCATATCATTACCAAATG  
 200 ▶ TyrAsnSerAsnAsnGluSerIlePheGluThrPheLysIleGlnValTyrAlaTyrHisSerProAsnV  
 5041 TAAACTTAAATCAAACCCCAAGTTTATATAATGAAAACCTACAGCGCTATTTGTACAATAGCAAATTACTT  
 223 ▶ alAsnLeuLysSerAsnProSerLeuTyrAsnGluAsnTyrSerAlaIleCysThrIleAlaAsnTyrPh  
 5111 TCCATTGGAATCTACGGAAATATTTTGGTTTAAACGATGGACAACCTATTGATAAAAAATATATAGATGAA  
 246 ▶ eProLeuGluSerThrGluIlePheTrpPheAsnAspGlyGlnProIleAspLysLysTyrIleAspGlu  
 5181 ACTTATAGTGTATGGATTGACGGTCTTATAACACGCACTTCAATATTATCCCTTCCCTTTTCCGAAGCCA  
 270 ▶ ThrTyrSerValTrpIleAspGlyLeuIleThrArgThrSerIleLeuSerLeuProPheSerGluAlaM  
 5251 TGGAAAGCCCCCAATTTGCGATGTAATGTTGAATGGTATAAAAAATCAAAGGCCTCAAAAAAATTTTC  
 293 ▶ etGluSerProProAsnLeuArgCysAsnValGluTrpTyrLysAsnSerLysAlaSerLysLysPheSe  
 5321 AAATACCGTTATTCCAAAAGTTTACTATAAACCTTTTATATCTATAAAATTTGATAATGGTTTAGCTATT  
 316 ▶ rAsnThrValIleProLysValTyrTyrLysProPheIleSerIleLysPheAspAsnGlyLeuAlaIle  
 5391 TGTGATGCTAAATGTGTTTCCCGTGAAAATAATAAATTACAATGGTTAGTTAAAGATATACCTATAAATG  
 340 ▶ CysAspAlaLysCysValSerArgGluAsnAsnLysLeuGlnTrpLeuValLysAspIleProIleAsnG  
 5461 GTGATGATATTATAAGCGGCCCCCTGTTTAAACCACCCTGGTTTGGTCAATATTCAAATAAAATAGATAT  
 363 ▶ lyAspAspIleIleSerGlyProCysLeuAsnHisProGlyLeuValAsnIleGlnAsnLysIleAspIl  
 5531 ATCGGATTATGATGAACCTGTTACCTATAAATGTTCAATTATTGGTTATCCAATAATTTTCCCAACTTT  
 386 ▶ eSerAspTyrAspGluProValThrTyrLysCysSerIleIleGlyTyrProIleIlePheProAsnPhe  
 5601 TATGATGAAAAGGTGTTTGATGCATCGGATGAAAATGTTAGTAAATCGATGTTAATAAGTATTACCACAA  
 410 ▶ TyrAspGluLysValPheAspAlaSerAspGluAsnValSerLysSerMetLeuIleSerIleThrThrI  
 5671 TAATTGGTGGAGCCATTTTGTATAGTATTGATTTTATAACAGCTTTATGTTTTTATTGTTCAAAAAA  
 433 ▶ leIleGlyGlyAlaIlePheValIleValLeuIlePheIleThrAlaLeuCysPheTyrCysSerLysAs  
 BgIII  
 5741 TAATAAGATCTAATATCAATATTTACGTAAATGGATTATATAATGTTATATTCGTGTTATTATGATTTAT  
 456 ▶ nAsnLysIle...  
 ORF5 --->  
 5811 AAGTTCATCAAATTTAAAATTTGTATAGTATTAAGATTTTAAATAGGGGTATCGTTTAATATGGCTCAG  
 1 ▶ MetAlaGln  
 5881 TTAGTTTTAACTGATATTCCCCTCGAAGATGTGGAAAATAAAAATACTTCATCCGACGAAGAAACAATA  
 4 ▶ LeuValLeuThrAspIleProLeuGluAspValGluAsnLysAsnThrSerSerAspGluGluThrThrA  
 5951 ACTTAAACCAGAAAAATCAACATGTCAATGTTTATGTGTTACCCTTGGATTTTTTGCAGCTGGAATTTT  
 27 ▶ snLeuAsnGlnLysLysSerThrCysGlnCysLeuCysValThrLeuGlyPhePheAlaAlaGlyIleLe  
 6021 ATTAACCATAGCTGCAATAATTTTACTTTTATTTTACAGTACCATTAGAAATGCTTGGATCGATTAAT  
 50 ▶ uLeuThrIleAlaAlaIleIlePheThrPheIlePheThrValProLeuGluMetLeuGlySerIleAsn  
 6091 TGTCTCCATCTACATTTGGTATTGATAATGTTTGTATCGAACCAATAAAAAATCTATTAATTCCTTATT  
 74 ▶ CysProProSerThrPheGlyIleAspAsnValCysIleGluProIleLysLysSerIleAsnSerTyrS  
 Scal  
 6161 CAGAATTATCTAAAATATGTTATGATAGATTGTCAAATCCGATAAATCAGAGTACT  
 97 ▶ erGluLeuSerLysIleCysTyrAspArgLeuSerAsnProIleAsnGlnSerThr

(FIG. 1 end)

5 / 18

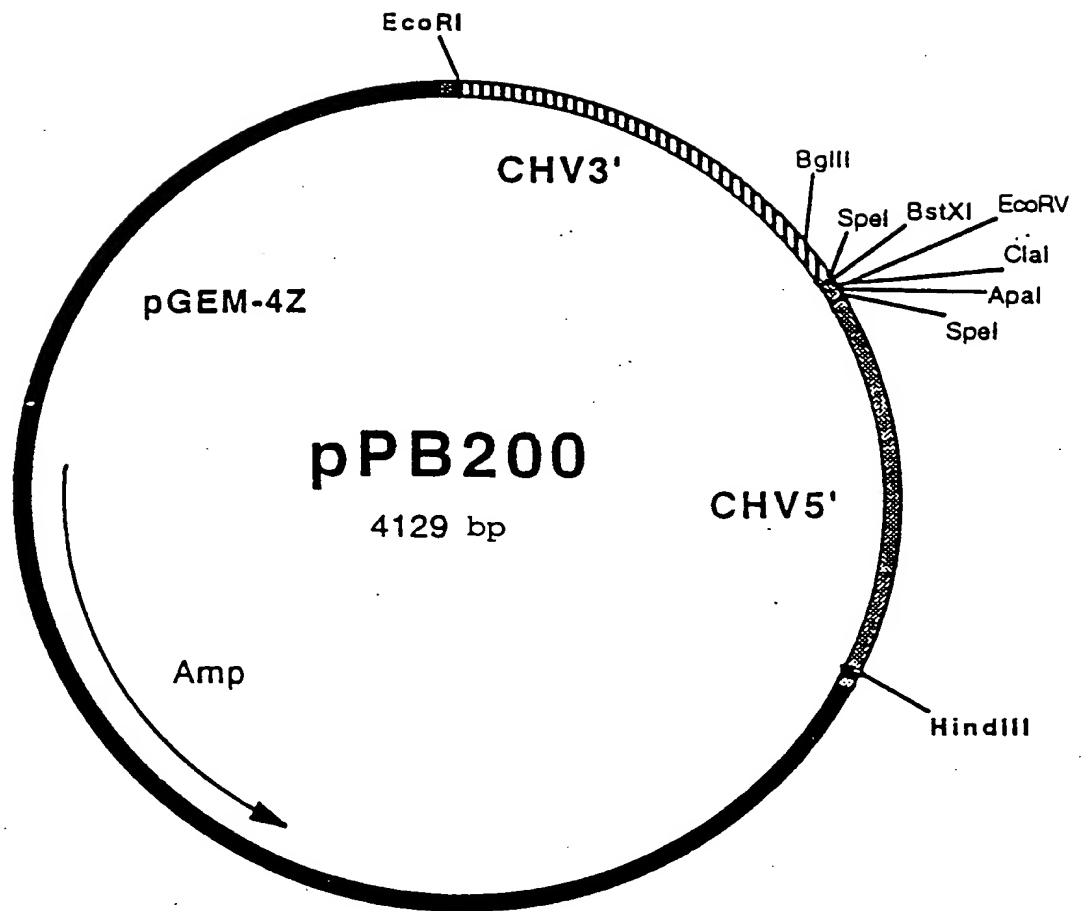


FIG. 2

6/18

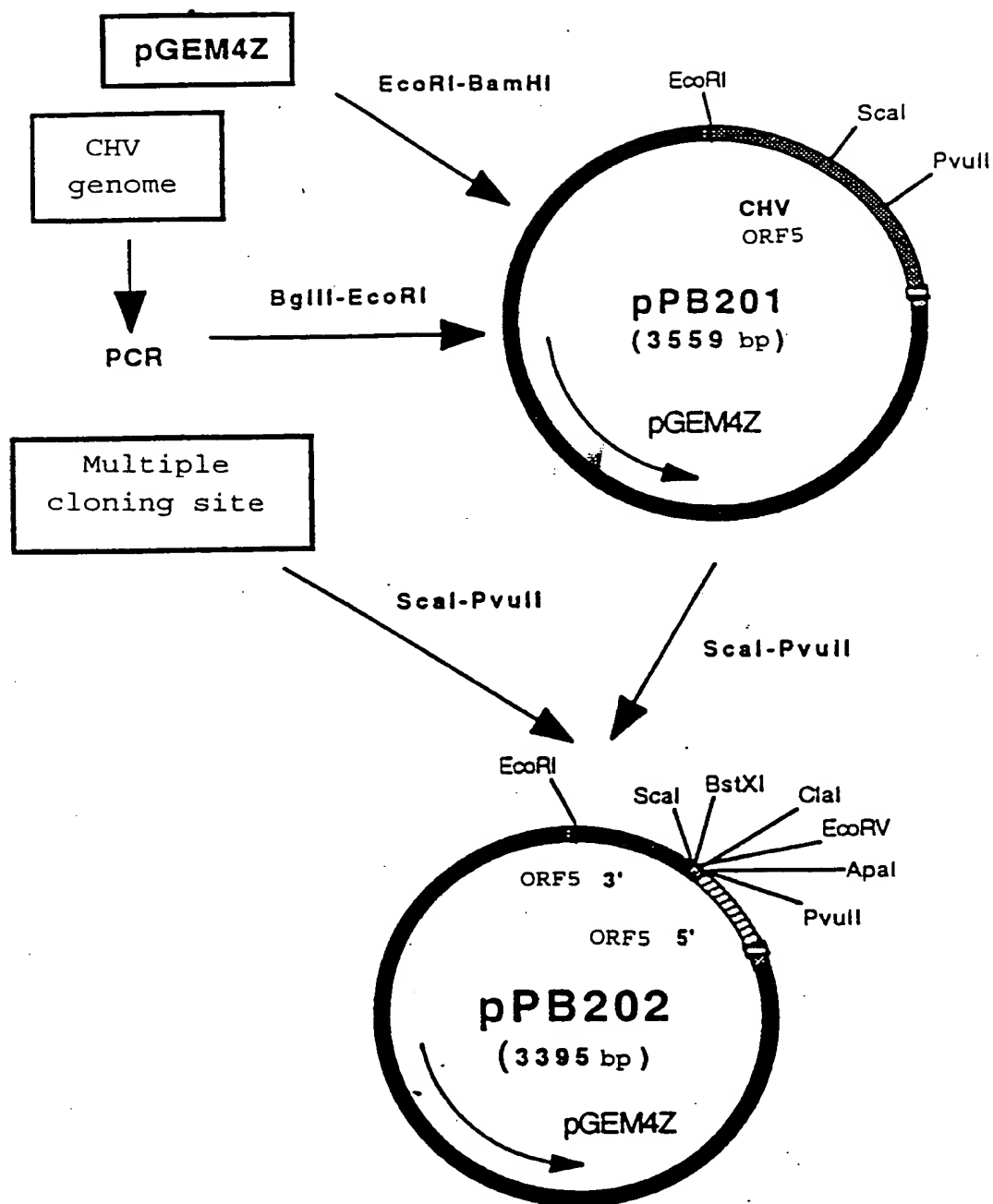


FIG. 3

7/18

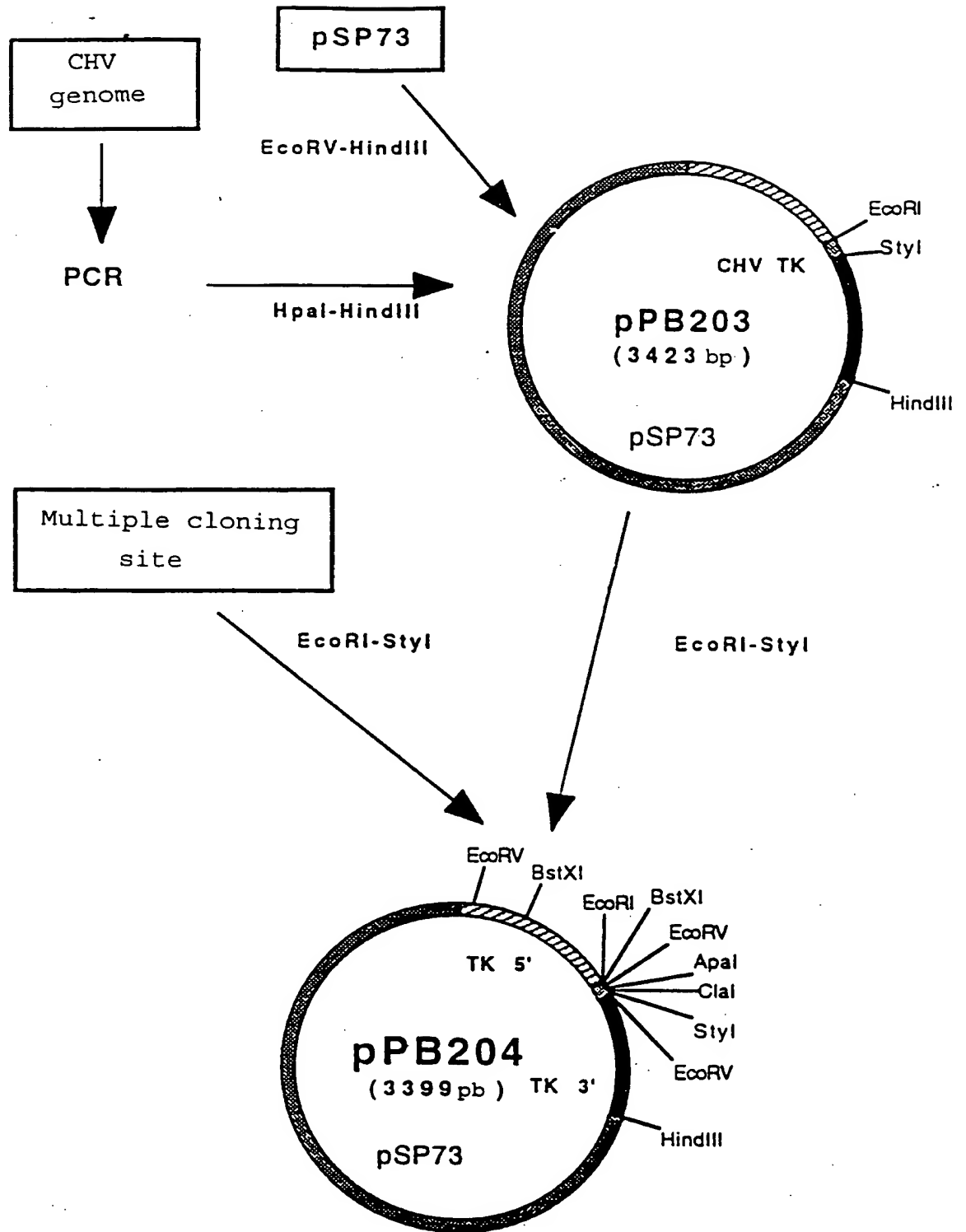


FIG. 4

8 / 18

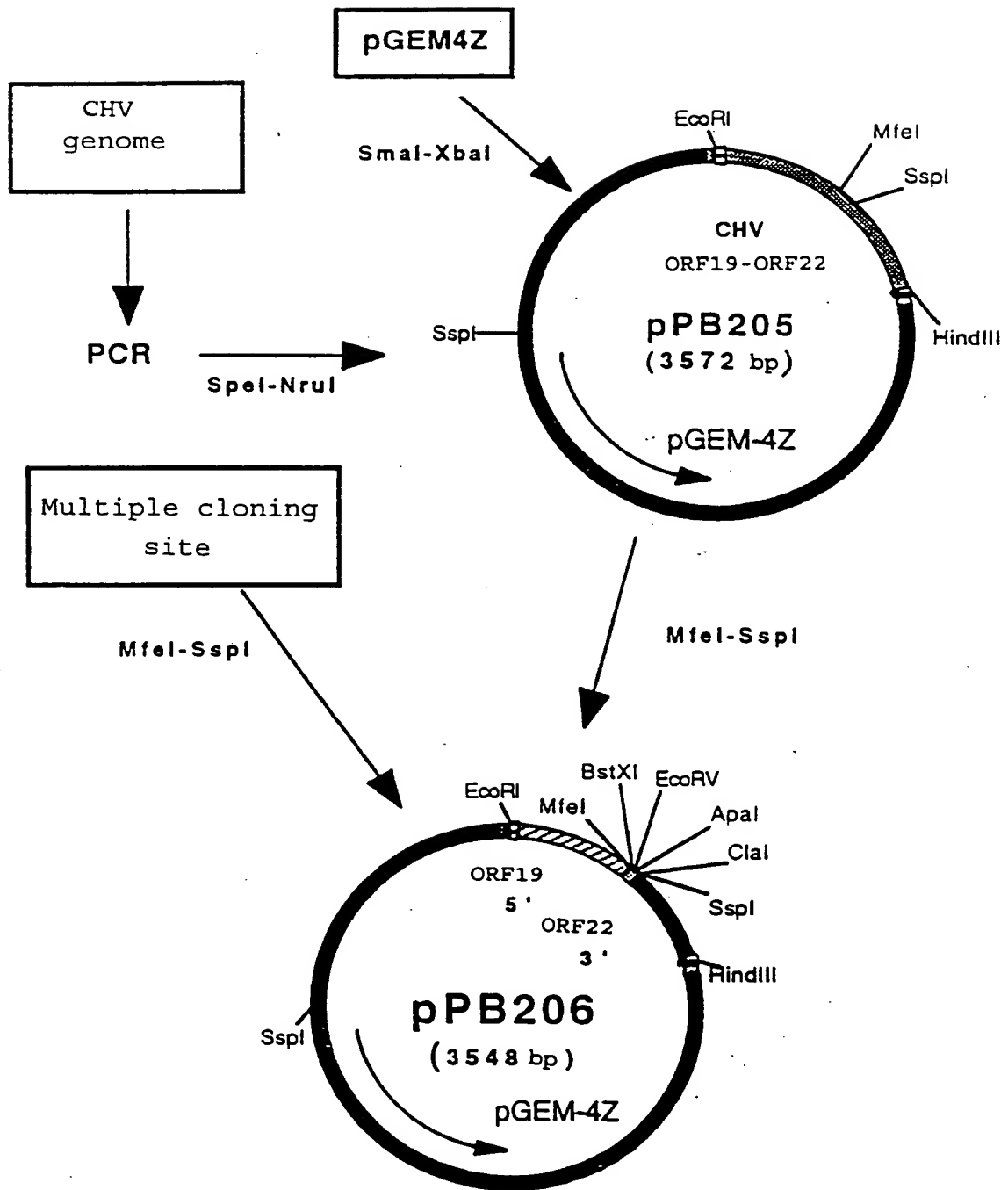


FIG. 5



3118

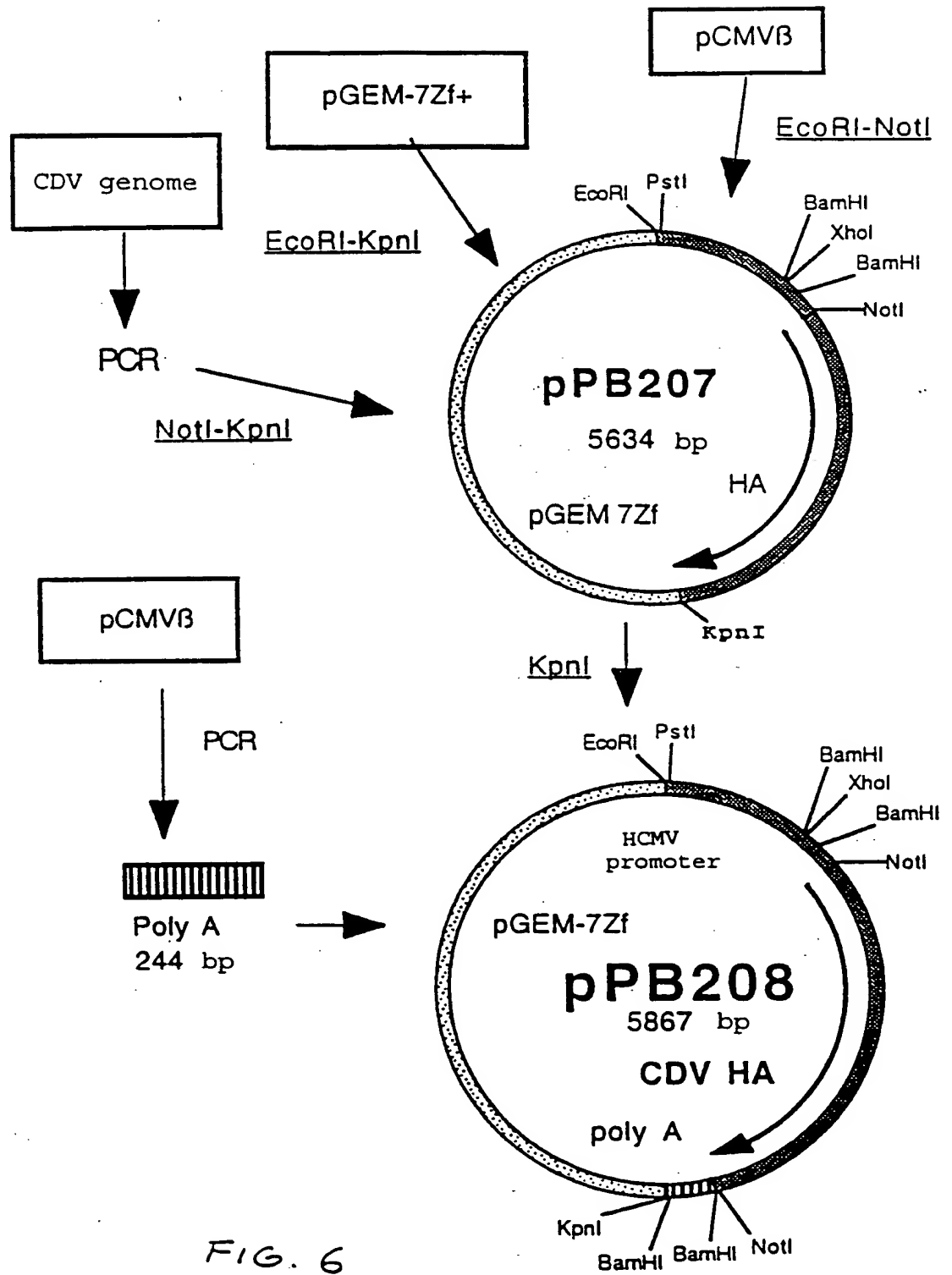


FIG. 6

10/18

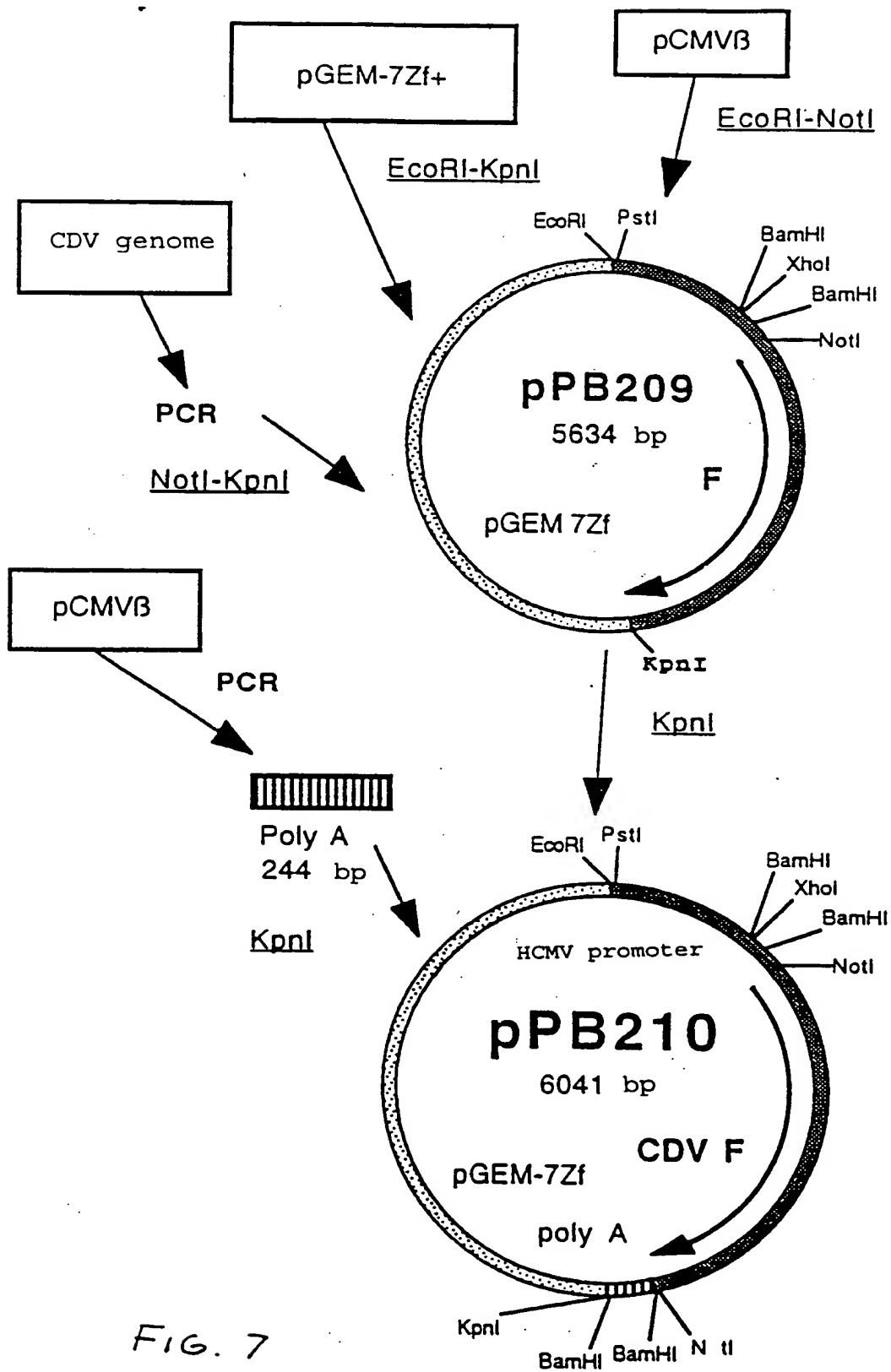


FIG. 7

11/18

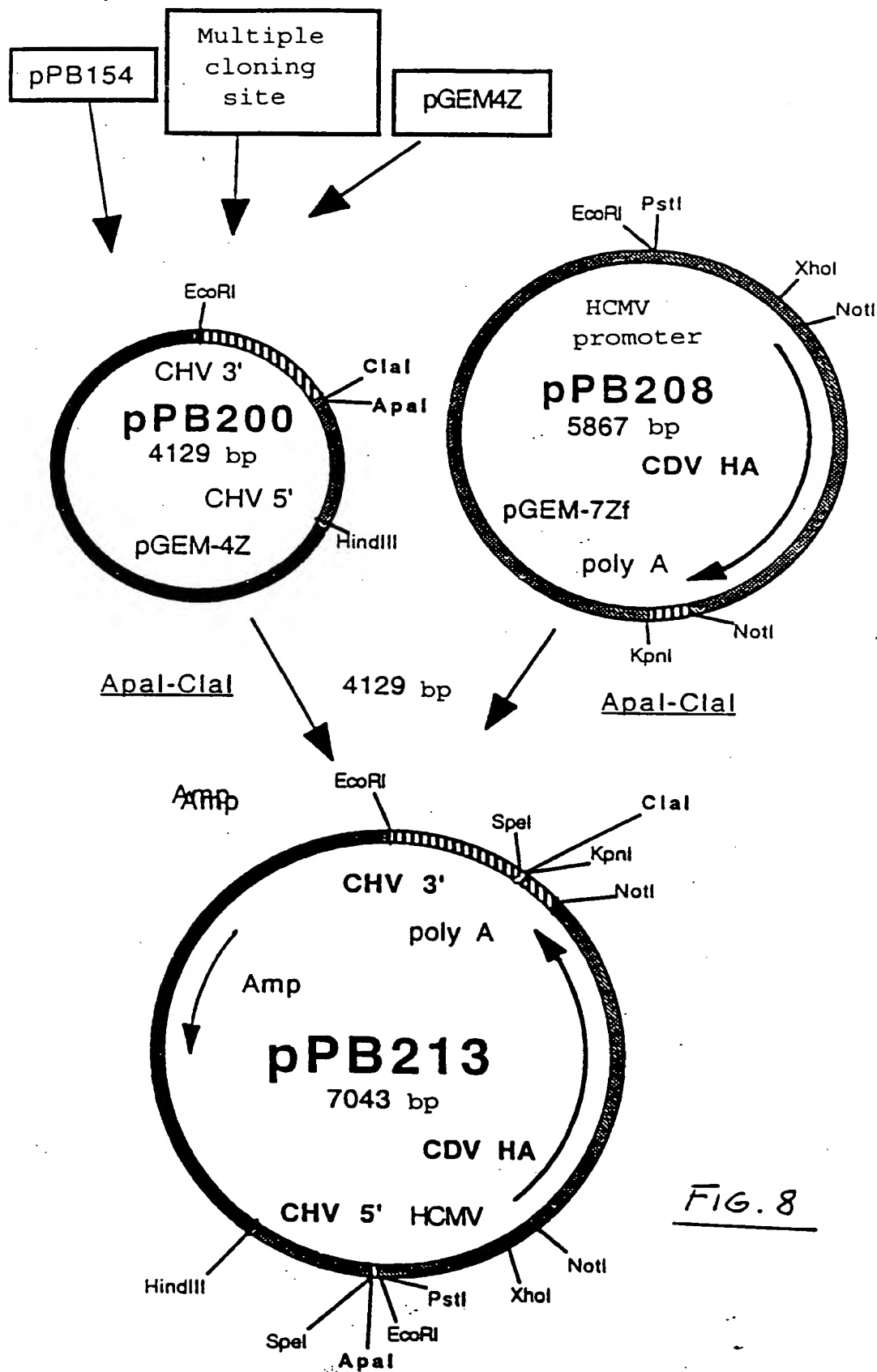


FIG. 8

12/18

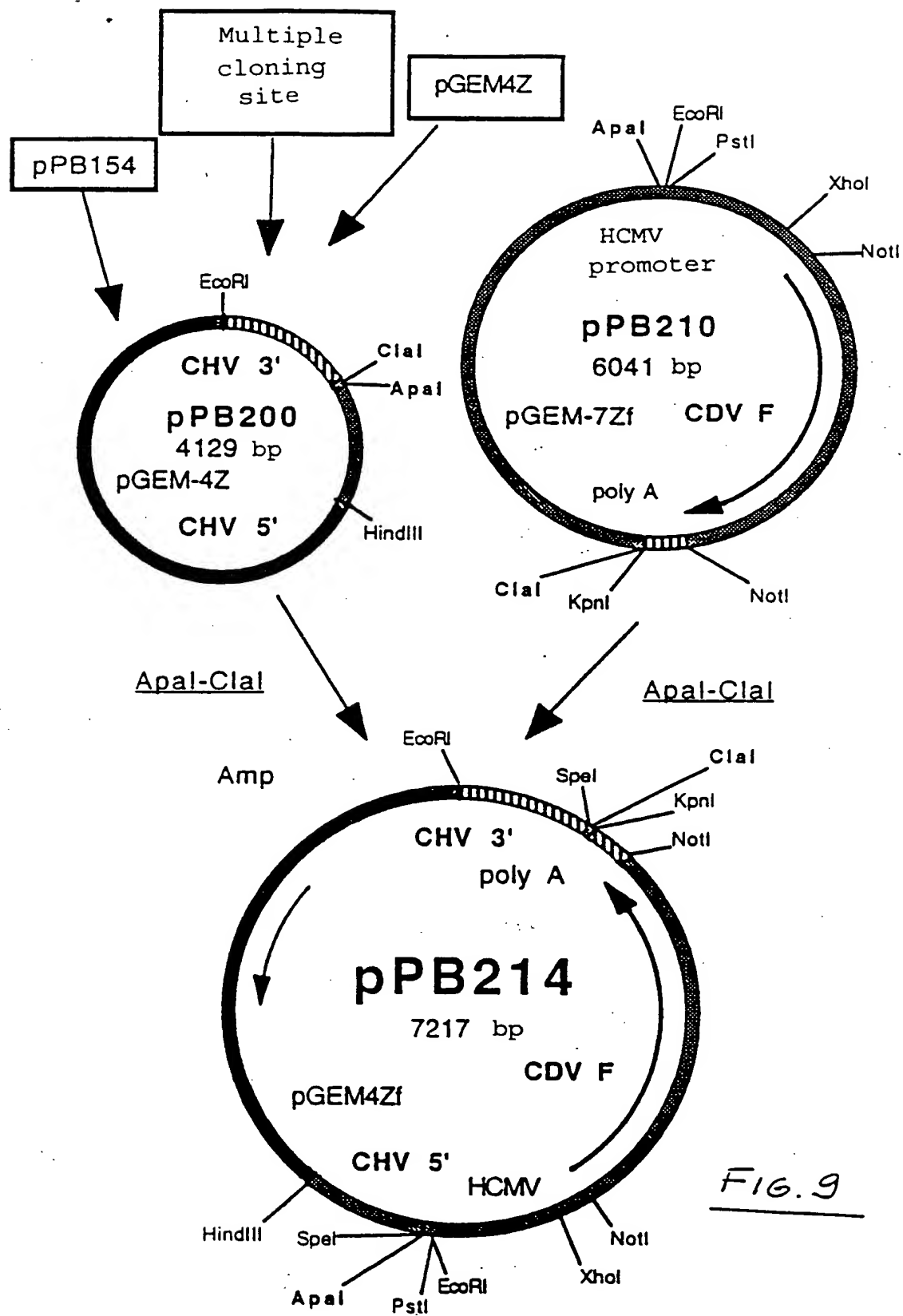


FIG. 9

13118

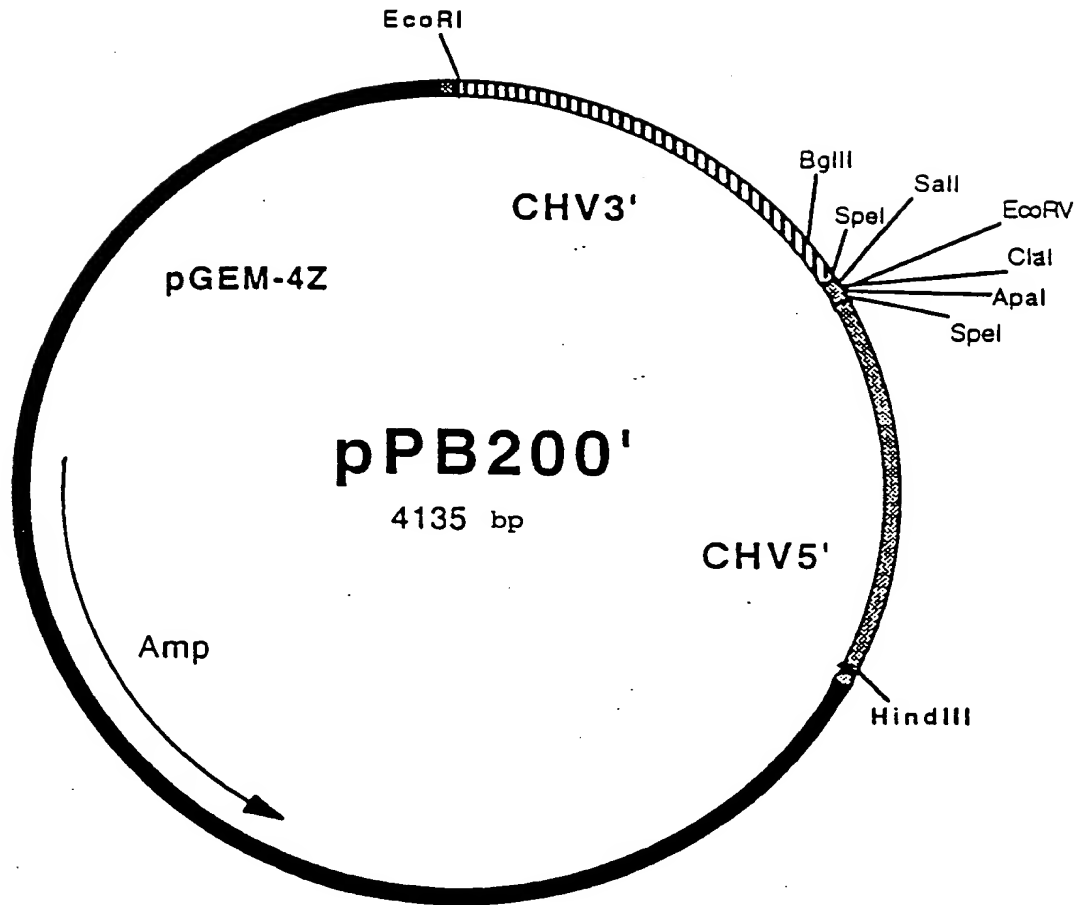


FIG. 10

14 / 18

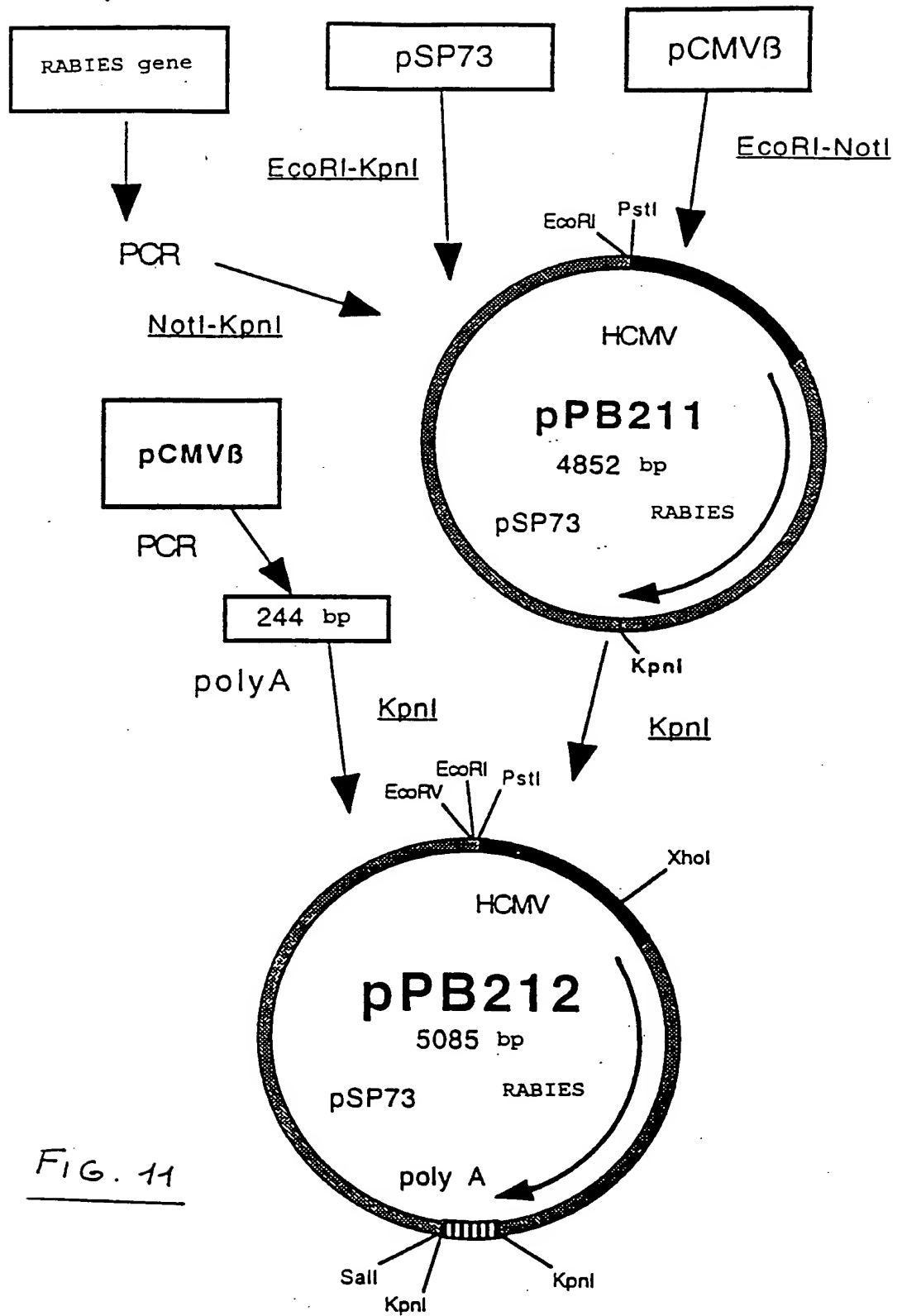


FIG. 11

15/18

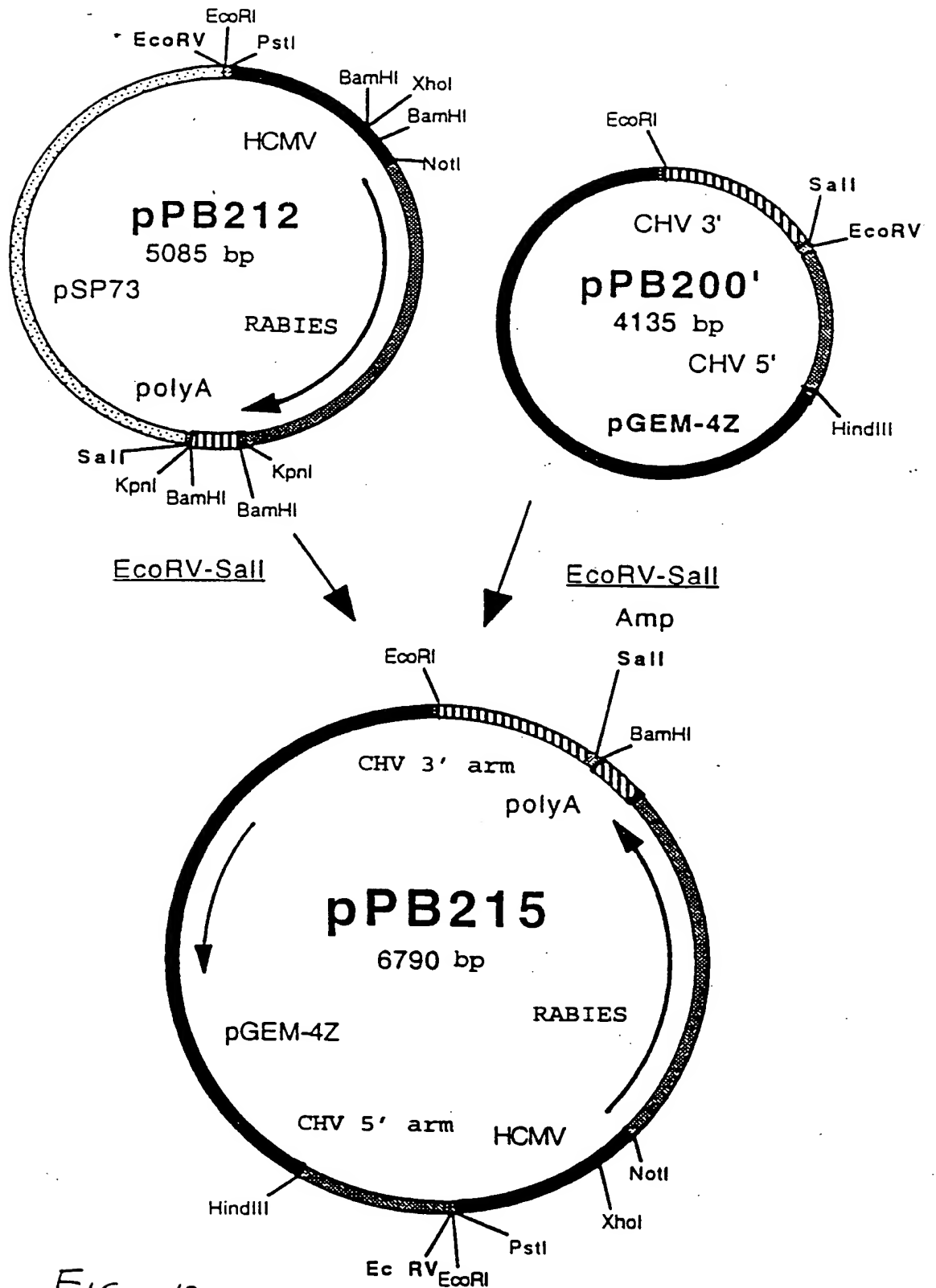


FIG. 12

000000-02450500

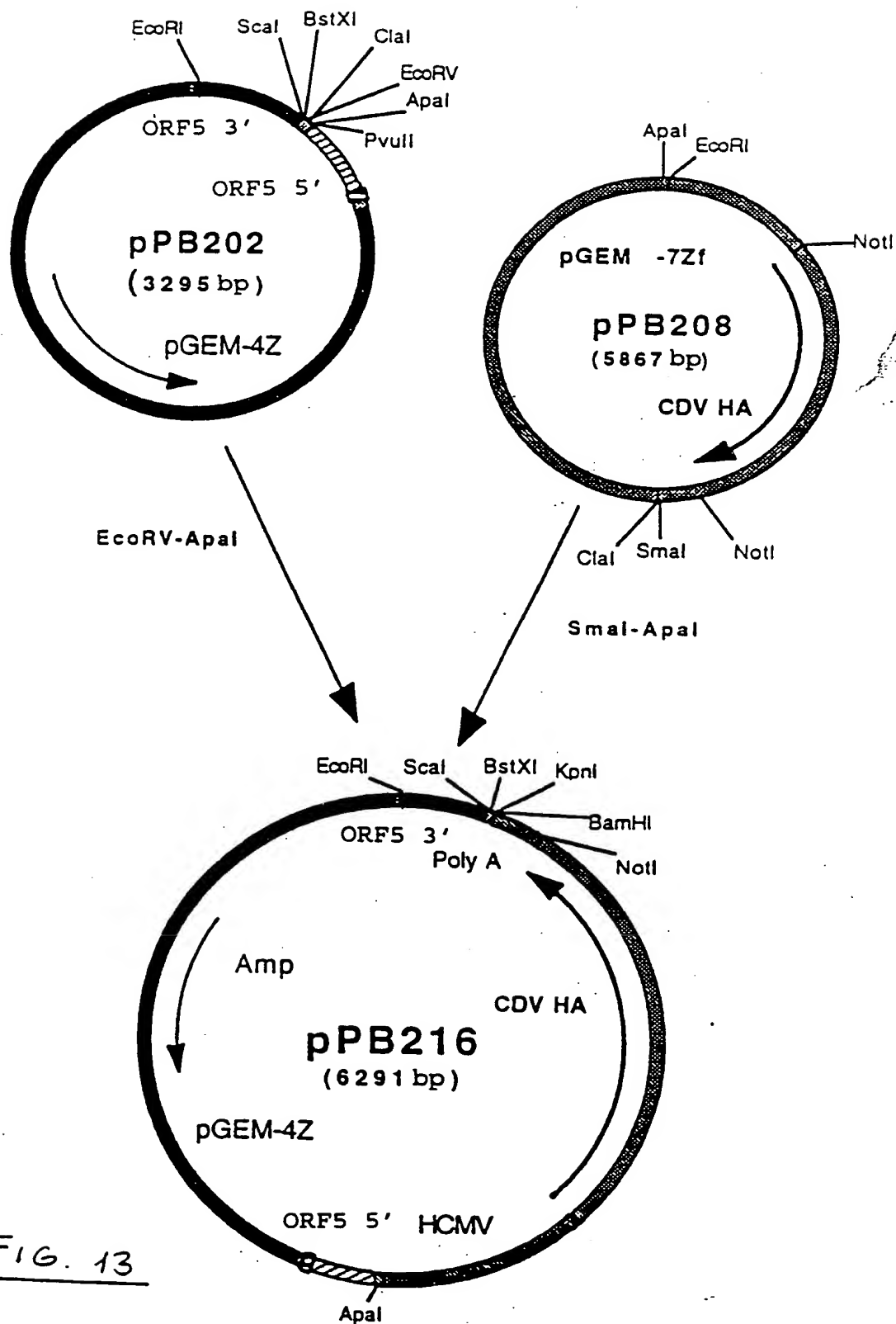


FIG. 13



17/18

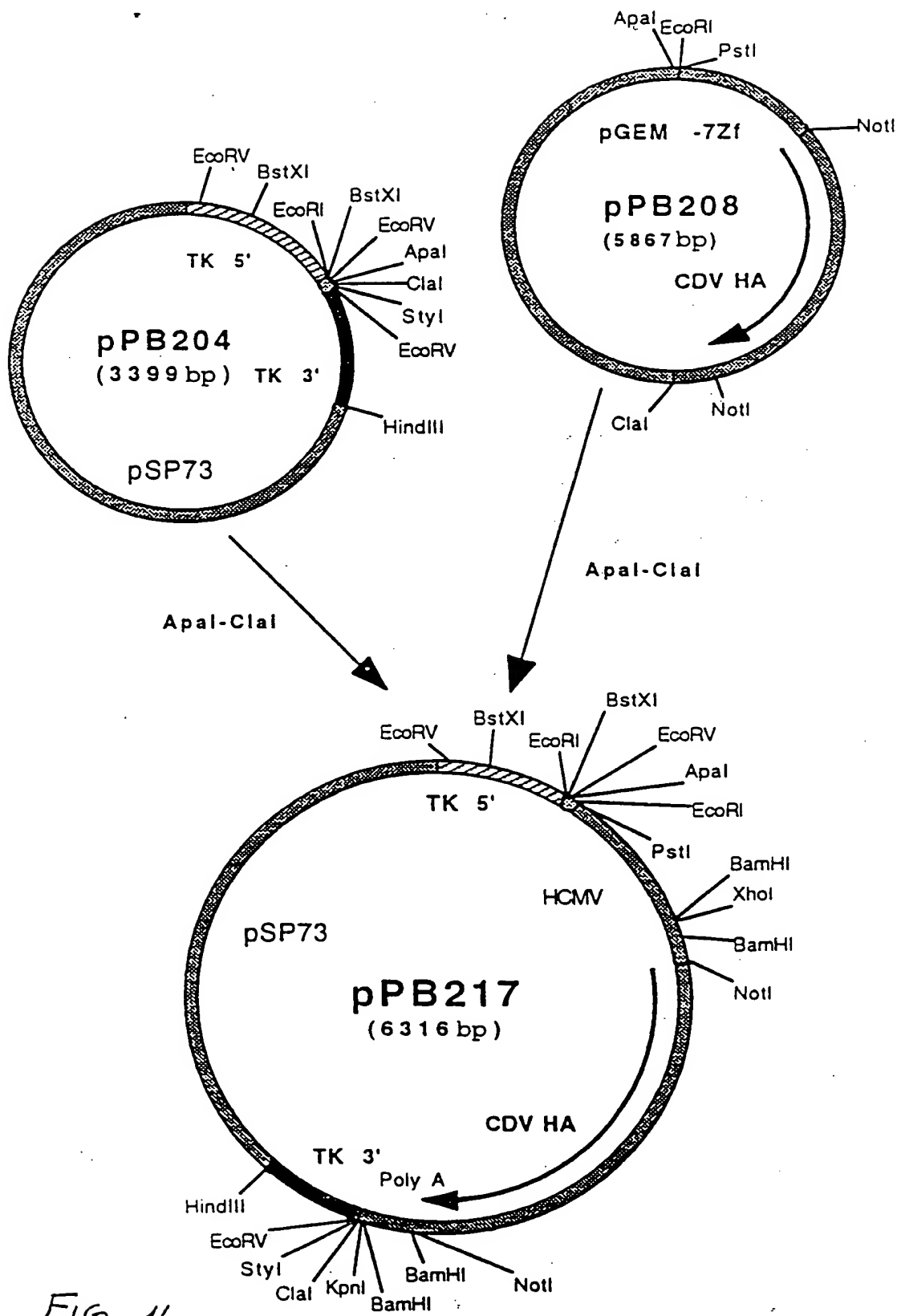


FIG. 14

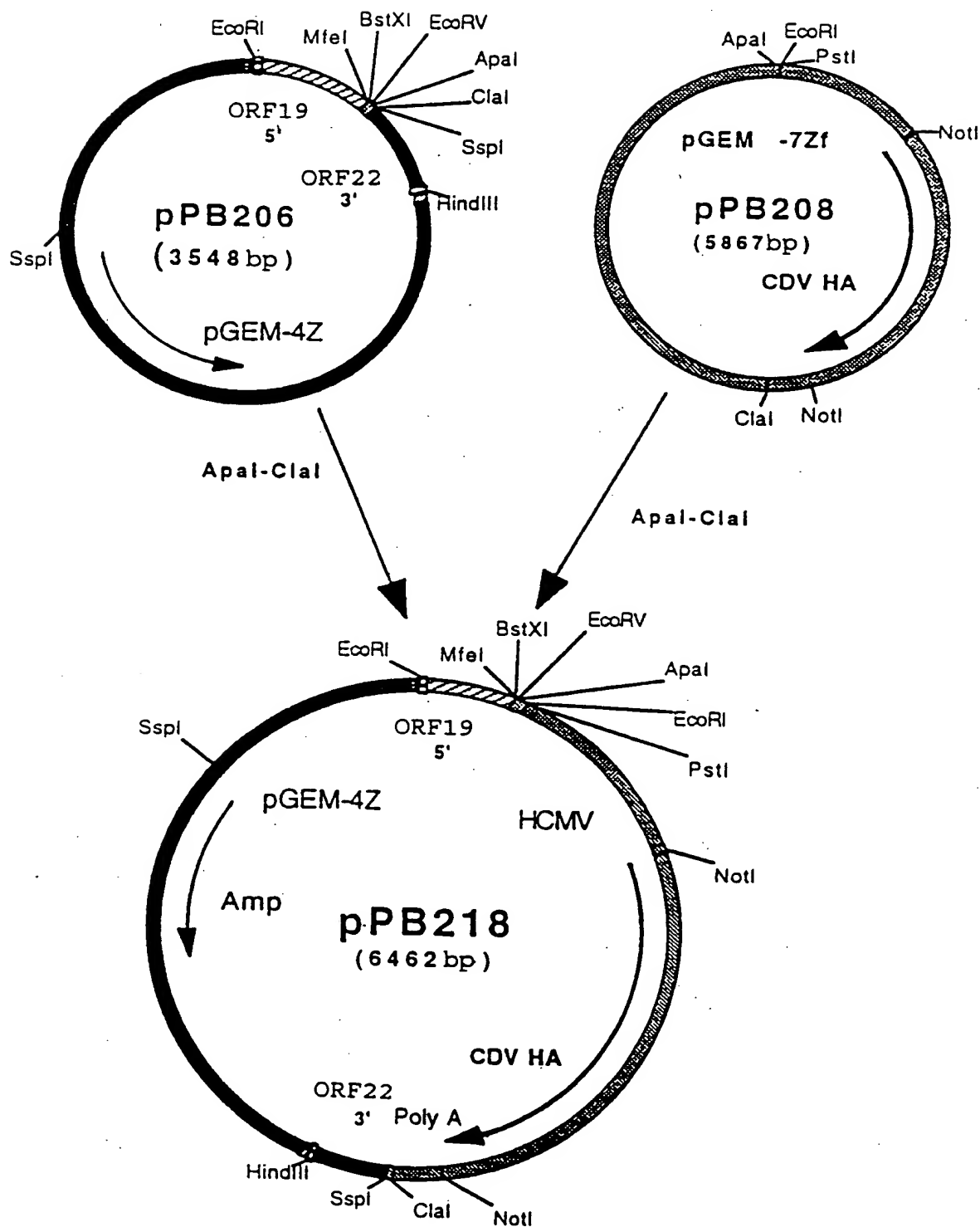


FIG. 15